

DICHIARAZIONI SOSTITUTIVE DI CERTIFICAZIONI

(art. 46 D.P.R. n. 445/2000)

DICHIARAZIONI SOSTITUTIVE DELL'ATTO DI NOTORIETÀ

(art. 47 D.P.R. n. 445/2000)

La sottoscritta

COGNOME: MARZANO

NOME: FLAVIANA

Nato a: Bari

Il 25/04/1984

Attualmente Residente a: Bari

Indirizzo: Via Antonio e Nicola Sorrentino 6

Visto il D.P.R. 28 dicembre 2000, n. 445 concernente “T.U. delle disposizioni legislative e regolamentari in materia di documentazione amministrativa” e successive modifiche ed integrazioni;

Vista la Legge 12 novembre 2011, n. 183 ed in particolare l'art. 15 concernente le nuove disposizioni in materia di certificati e dichiarazioni sostitutive (*);

Consapevole che, ai sensi dell'art.76 del DPR 445/2000, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono punite ai sensi del Codice penale e delle leggi speciali vigenti in materia, dichiara sotto la propria responsabilità:

*che quanto dichiarato nel seguente curriculum vitae et studiorum
comprensivo delle informazioni sulla produzione scientifica
corrisponde a verità*

Curriculum vitae et studiorum

Dati anagrafici:

Nome: MARZANO FLAVIANA

Luogo e data di nascita: Bari, 25 Aprile 1984

Cittadinanza: Italiana

Residenza: Bari

Telefono:

e-mail : flaviana.marzano@cnr.it

pec: flaviana.marzano@pec.it

sospensione attività lavorativa dal 1/11/2017 al 13/04/2018 per congedo maternità obbligatoria

Bari, 08/07/2026



Esperienza professionale:

➤ Ricercatore a tempo Indeterminato presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM) del Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR).
Data 01/02/2022

➤ Assegnista di ricerca presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM- CNR di Bari) nell'ambito del **PROGETTO ELIXIR-IIB PREVISTO NELLA ROADMAP ESFRI CUP B92F17000320005**. Tematica: "SVILUPPO ED IMPLEMENTAZIONE DI NUOVE METODOLOGIE SPERIMENTALI E BIOINFORMATICHE PER ANALISI OMICHE INTEGRATE DEL MICROBIOMA UMANO",

Data 28/04/2020

Protocollo N. 0000562

Rilasciato dal Direttore prof. Graziano Pesole

Periodo attività dal 1/05/2020 al 30/04/2021

- **Rinnovo assegno N. 0000655 del 28/04/2021**
Periodo attività dal 1/05/2021 al 30/04/2022

➤ Assegnista di ricerca presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM- CNR di Bari) nell'ambito del **PROGETTO LIFEWATCH PREVISTO NELLA ROADMAP ESFRI** Tematica: "Sviluppo di strumenti bioinformatici innovativi per lo studio della Biodiversità Molecolare",

Data 27/04/2018

Protocollo N. 0000799

Rilasciato dal Direttore prof. Graziano Pesole

Periodo attività dal 1/05/2018 al 30/04/2019

- **Rinnovo assegno N. 0000604 del 19/04/2019**
Periodo attività dal 1/05/2019 al 30/04/2020

➤ Incarico di collaborazione continuata e continuativa per lo svolgimento di attività di ricerca nell'ambito del progetto **DICLIMAX: STRUMENTAZIONE PER DIAGNOSTICA CLINICA BASATA SU NEXT GENERATION SEQUENCING DI ACIDI NUCLEICI** cod MTJU9H8

Data 07/09/2016

Protocollo N. 0001105

Rilasciato dal direttore istituto IBIOM Graziano Pesole

Periodo attività dal 10/10/2016 al 30/04/2018

Attività principale: "Sviluppo e ottimizzazione di protocolli sperimentali e metodologie bioinformatiche per l'analisi genetica di cardiomiopatie"

Sede di svolgimento: Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR Bari

➤ Assegnista di ricerca presso l'Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari) nell'ambito del **PROGETTO VIRTUALAB** (PON01_01297) Tematica: Virtualab-Sistemi Avanzati di Meccatronica Biomedica di Diagnosi e Terapia Medica basati su Realtà Virtuale e Aumentata, Microelettronica e su laboratori robotizzati ad elevato throughput

Data 10/07/2012

Protocollo N. 0001711

Rilasciato dal Direttore dipartimento Luigi Zecca

Periodo attività dal 15/07/2012 al 9/10/2016

Attività principale: “Sviluppo di tecniche di alto throughput per le analisi qualitative e quantitative degli acidi nucleici per scopi diagnostici”

Responsabile scientifico: Dott.ssa Apollonia Tullo

Sede di svolgimento: Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari)

Rinnovi di anno in anno dal 2012 al 2016:

- **N.001717 del 05/07/2013 primo rinnovo**
- **N.0001831 del 16/07/2014 secondo rinnovo**
- **N.0001432 del 08/07/2015 terzo rinnovo**
- **N.0001545 del 11/07/2016 quarto rinnovo**

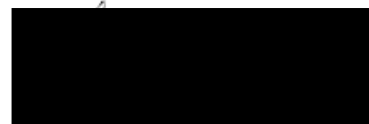
Istruzione e formazione:

- **Acquisizione titolo di Dottore di Ricerca in Scienze Pediatriche**
Dip. Di Biomedicina dell'età evolutiva, Università degli studi di Bari
Data 01/06/2012
Rilasciato da prof. Chiarelli (Università degli studi di Chieti presidente commissione), prof.ssa Casale (Università degli studi di Napoli componente commissione) e prof. Campanozzi (Università degli studi di Foggia componente segretario)
Titolo tesi: “Analisi molecolare e studio funzionale dei principali mediatori di segnali di crescita intra ed extracellulari in bambini con bassa statura”.
Docente guida: Dr.ssa Maria Felicia Faienza, dip. Di Biomedicina dell'Età Evolutiva, Università degli studi di Bari
Tutor: Dr.ssa Apollonia Tullo, Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)-CNR Bari
- **Dottorando di Ricerca (XXIV ciclo) nel programma di Dottorato di Scienze Pediatriche**
coordinato dal Prof. De Mattia, Università degli Studi di Bari. Attività svolta presso il Dipartimento di Biomedicina dell'Età Evolutiva in collaborazione con l'Istituto di Tecnologie Biomediche, CNR di Bari
Periodo attività dal 01/01/2009 al 31/12/2011
- **Abilitazione all'esercizio della libera professione di biologo**
Data Gennaio 2009
Rilasciato dall' Università degli studi di Bari
- **Laurea Specialistica in Scienze Biosanitarie**, Facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali,
Università degli Studi di Bari con voti 108/110
Data 3/11/2008
N. certificato 2008201236/M723
Rilasciato da Università degli studi di Bari

- **Studente interno** presso il Dipartimento di Biochimica e Biologia Molecolare, Università degli Studi di Bari. Attività svolta in collaborazione con l'ITB- CNR di Bari.
Tesi di laurea sperimentale dal titolo: “Trim8 un nuovo target trascrizionale e un modulatore dell'attività dell'oncosoppressore p53”.
Da ottobre 2007 a ottobre 2008
Relatore: Prof.ssa Gemma Gadaleta, dip. Biologia cellulare e molecolare, Università degli studi di Bari
Correlatore: Prof. ssa Elisabetta Sbisà, ITB-CNR Bari
- **Laurea Triennale in Scienze Biosanitarie**, Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali,
Università degli Studi di Bari con voti 104/110
Data 21/12/2006
N. certificato 200639383/M723
Rilasciato da Università degli Studi di Bari
- **Studente interno** presso il Dipartimento di Fisiologia, Università degli Studi di Bari.
Tesi di laurea sperimentale dal titolo: “Efflusso di rodamina-123 dalle cellule di adenocarcinoma mammario MCF7” da settembre 2006 a ottobre 2006
Relatore: Prof. Giuseppe Cassano, dip. Di Fisiologia, Università degli studi di Bari
- **Diploma di Maturità scientifica** votazione finale 100/100
Liceo Scientifico “A.Scacchi” di Bari
In data luglio 2003

Attività didattica:

- ✓ **Incarico di insegnamento** nell'ambito dei Master Universitari di II livello del Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra (DiBEST) – Anno Accademico 2025/2026 – Decreto Rettorale n. 187/2026 del 20/04/2026.
Master Universitario di II livello in “Biologi per la Nutrizione, la Diagnostica e l'Ambiente” – Insegnamento: “Tecnologie di laboratorio di nuova generazione” – 40 ore – 5 CFU – Settore Scientifico Disciplinare BIO/10 – Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra, Università della Calabria.
- ✓ **Incarico di insegnamento** nell'ambito dei Master Universitari di II livello del Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra (DiBEST) – Anno Accademico 2025/2026 – Decreto Rettorale n. 187/2026 del 20/04/2026.
Master Universitario di II livello in “Biologi per la Nutrizione, la Diagnostica e l'Ambiente” – Insegnamento: “Laboratorio sperimentale” – 24 ore – 3 CFU – Settore Scientifico Disciplinare BIO/10 – Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra, Università della Calabria.



- ✓ **Incarico di insegnamento** nell'ambito dei Master Universitari di II livello del Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra (DiBEST) – Anno Accademico 2024/2025 – Decreto Rettorale n. 227/2025 del 21/07/2025. Master Universitario di II livello in “Biologi per la Nutrizione, la Diagnostica e l’Ambiente” – Insegnamento: “Tecnologie di laboratorio di nuova generazione” – 40 ore – 5 CFU – Settore Scientifico Disciplinare BIO/10 – Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra, Università della Calabria.

- ✓ **Incarico di insegnamento** nell'ambito dei Master Universitari di II livello del Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra (DiBEST) – Anno Accademico 2024/2025 – Decreto Rettorale n. 227/2025 del 21/07/2025. Master Universitario di II livello in “Biologi per la Nutrizione, la Diagnostica e l’Ambiente” – Insegnamento: “Laboratorio sperimentale” – 24 ore – 3 CFU – Settore Scientifico Disciplinare BIO/10 – Dipartimento di Biologia, Ecologia e Scienze della Terra, Università della Calabria.

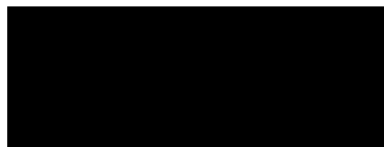
- ✓ **Attività seminariale svolta nell'ambito del Master di II livello** in “Medicina Integrata e Food Management per la Prevenzione e Cura dei Tumori”, a.a. 2020-2021
Data 03-09-2021
Attestato rilasciato dal coordinatore del Master in Medicina Integrata e Food Management per la Prevenzione e Cura dei Tumori Pr.ssa Barbara Maria Rita Tomasello

- ✓ **Attività seminariale svolta nell'ambito del Master di II livello** in “Medicina Integrata e Food Management per la Prevenzione e Cura dei Tumori”, a.a. 2019-2020
Data 24-07-2020
Attestato rilasciato dal coordinatore del Master in Medicina Integrata e Food Management per la Prevenzione e Cura dei Tumori Pr.ssa Claudia Di Giacomo

- ✓ 26/04/2017 **Culture della materia** per l'insegnamento di laboratorio Biologia Molecolare e Informatica corso di laurea Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche.
Data 26/04/2017
protocollo N. 0000442
Nomina rilasciata dal direttore del dipartimento prof.ssa Maria Svelto.

- ✓ A.A. 2013/2014 **Attività didattica** di sostegno alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica della Prof.ssa Apollonia Tullo. Facoltà di Scienze Biotecnologiche, Università degli Studi di Bari Corso di laurea in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche.
Attestato rilasciato dal preside prof. Luigi Palmieri.

- ✓ A.A. 2010/2011 **Attività didattica** di sostegno alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Biotecnologie II della Prof.ssa Annamaria D’Erchia. Facoltà di Scienze Biotecnologiche, Università degli Studi di Bari Corso di laurea in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche.
Attestato rilasciato dal preside prof. Luigi Palmieri.



- ✓ A.A. 2010/2011 **Attività didattica** di sostegno alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica della Prof.ssa Apollonia Tullo. Facoltà di Scienze Biotecnologiche, Università degli Studi di Bari Corso di laurea in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche nuovo ordinamento.
Attestato rilasciato dal preside prof. Luigi Palmieri.

Attività di tutoraggio:

- ✓ **Tutor di laboratorio** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Ruolo di TRIM8 nella regolazione p53-dipendente dell’espressione dei geni coinvolti nel trasporto di chemioterapici”, Corso di laurea magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare (A.A. 2019/2020)
- ✓ **Tutor di laboratorio** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio di TRIM8 nella regolazione dell’attività di p53 nel processo autofagico”, corso di laurea magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare (A.A. 2016/2017).
- ✓ **Tutor di laboratorio** nell’ambito del progetto “Nuovi profili professionali per l’industria della medicina avanzata” progetto di formazione relativo all’intervento PON01_01297.
Data 26/05/2014
Attestato rilasciato dal responsabile progetto formazione dott.ssa Annicchiarico Annamaria.
Durante tale periodo è stato svolto supporto per formandi nelle seguenti attività:
 - preparazione campioni da sottoporre a sequenziamento massivo con piattaforme FLX 454 e MiSeq Illumina
 - validazione mediante RT-PCR
 - esperimenti biologia molecolare
- ✓ **Tutor di laboratorio** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio di IGFBP3, p53, p63 e p73 come biomarcatori dei deficit accrescitivi”, triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche della facoltà di Scienze Biotecnologiche (A.A. 2013/2014).
- ✓ **Tutor di laboratorio** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Sindrome di Majewski: nuova valutazione delle basi molecolari”, triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche della facoltà di Scienze Biotecnologiche (A.A. 2013/2014)
- ✓ **Tutor di laboratorio** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio della regolazione dell’espressione di TRIM8 mediata dal microRNA-106b-5p”, triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche della facoltà di Scienze Biotecnologiche (A.A. 2014/2015)

Provvedimenti nomine

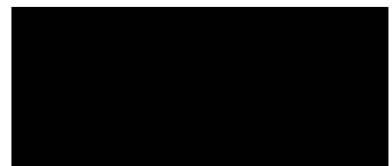
Provvedimenti nomine commissioni:

- commissione esaminatrice della selezione per titoli e colloquio ai sensi dell'art. 8 del "Disciplinare concernente le assunzioni di personale con contratto di lavoro a tempo determinato", per l'assunzione, ai sensi dell'art. 83 del CCNL del Comparto "Istruzione e Ricerca" 2016-2018, sottoscritto in data 19 aprile 2018, di una unità di personale con profilo professionale di Tecnologo III livello, presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM) - Bari (IT). BANDO N. 400.001 – TECNOLOGO - IBIOM – PNRR. Project ELIXIRxNextGenerationIT"- CUP B53C22001800006. provvedimento del 07 Marzo 2023 prot. n. 0067878.
- commissione esaminatrice della selezione per titoli e colloquio ai sensi dell'art. 8 del "Disciplinare concernente le assunzioni di personale con contratto di lavoro a tempo determinato", per l'assunzione, ai sensi dell'art. 83 del CCNL del Comparto "Istruzione e Ricerca" 2016-2018, sottoscritto in data 19 aprile 2018, di tre unità di personale con profilo professionale di Tecnologo III livello, presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM) - Bari (IT). BANDO N. 400.003 – TECNOLOGO - IBIOM – PNRR. Project ELIXIRxNextGenerationIT"- CUP B53C22001800006 provvedimento del 07 Marzo 2023 prot. n. 0067885.
- commissione esaminatrice della selezione per titoli e colloquio ai sensi dell'art. 8 del "Disciplinare concernente le assunzioni di personale con contratto di lavoro a tempo determinato", per l'assunzione, ai sensi dell'art. 83 del CCNL del Comparto "Istruzione e Ricerca" 2016-2018, sottoscritto in data 19 aprile 2018, di una unità di personale con profilo professionale di Tecnologo III livello, presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM) - Bari (IT). BANDO N. 400.005 – TECNOLOGO - IBIOM – PNRR. Project ELIXIRxNextGenerationIT"- CUP B53C22001800006 provvedimento del 07 Marzo 2023 prot. n. 0067894.
- commissione giudicatrice per la valutazione comparativa nell'ambito di una selezione pubblica finalizzata al conferimento di n. 01/AR/2023-CIR-CNRBiOmics - IBIOM-BA prot. amm-cnt n. 00112657/2023 Tipologia di Assegno A) "Assegni Professionalizzanti" Rif.: CIR01_00017_456494 conferito dall'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari CNR di Bari nell'ambito del Progetto CIR01_00017 – "CNRBiOmics – Centro Nazionale di Ricerca in Bioinformatica per le Scienze "Omiche" - Rafforzamento del capitale umano, Decreto di Concessione del finanziamento n. 1725 del 31 ottobre 2020, registrato presso la Corte dei conti in data 18 novembre 2020 al n° 2198; U.C.B. Ufficio di controllo in data 13 novembre 2020 al n° 660, di cui all'avviso di cui al D.D. n. 2595 del 24 dicembre 2019, CUP B56J20000960001, per la seguente tematica: "Potenziamento di una piattaforma per la produzione massiva di dati "omici". Valorizzazione delle potenzialità applicative di piattaforme di sequenziamento degli acidi nucleici di seconda generazione ad altissime prestazioni ed elevata processività scalabile e flessibile". Protocollo N. 139433 del 20230510 (2023-CNR0A00-0139433).

- commissione giudicatrice per la valutazione comparativa nell'ambito di una selezione pubblica finalizzata al conferimento di n. 03/AR/2022-CIR-CNRBiOmics - IBIOM-BA prot. amm-cnt n. 0095109/2022 Tipologia di Assegno A) "Assegni Professionalizzanti" Rif.: CIR01_00017_456494 conferito dall'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari CNR di Bari nell'ambito del Progetto CIR01_00017 – "CNRBiOmics – Centro Nazionale di Ricerca in Bioinformatica per le Scienze "Omiche" - Rafforzamento del capitale umano, Decreto di Concessione del finanziamento n. 1725 del 31 ottobre 2020, registrato presso la Corte dei conti in data 18 novembre 2020 al n° 2198; U.C.B. Ufficio di controllo in data 13 novembre 2020 al n° 660, di cui all'avviso di cui al D.D. n. 2595 del 24 dicembre 2019, CUP B56J20000960001, per la seguente tematica: "Potenziamento di una piattaforma per la produzione massiva di dati "omici". Valorizzazione delle potenzialità applicative della strumentazione avanzata per la costruzione di mappe fisiche del genoma basate su sistemi ottici ad altissima risoluzione". Protocollo N. 139439 del 20230510 (2023-CNR0A00-0139439)
- commissione giudicatrice per la valutazione comparativa nell'ambito di una selezione pubblica finalizzata al conferimento di n. 1 Assegno per la Collaborazione ad Attività di Ricerca, di cui all'Avviso di selezione n. 01/AR/2022-CIR-CNRBiOmics -IBIOM-BA prot. amm-cnt n. 0021132/2022 Tipologia di Assegno A) "Assegni Professionalizzanti" conferito dall'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari CNR di Bari nell'ambito del Progetto CIR01_00017 – "CNRBiOmics – Centro Nazionale di Ricerca in Bioinformatica per le Scienze "Omiche", CUP B56J20000960001, per la seguente tematica:" Implementazione e sviluppo di un sistema LIMS (Laboratory Information Management System) per la gestione ed analisi bioinformatica di dati -omici, ottenuti mediante tecnologie di Next Generation Sequencing. o altre tecnologie omiche.
- commissione giudicatrice per la valutazione comparativa nell'ambito di una selezione pubblica finalizzata al conferimento di n. 1 Assegno per la Collaborazione ad Attività di Ricerca, di cui all'Avviso di selezione n. Avviso di selezione n° 02/2022/ITB/BA-CIR_CNRBIOMICS A) "Assegni Professionalizzanti" conferito dall'Istituto di Tecnologie Biomediche CNR di Bari nell'ambito del Progetto CIR01_00017 – "CNRBiOmics – Centro Nazionale di Ricerca in Bioinformatica per le Scienze "Omiche", CUP B56J20000960001, per la seguente tematica: "Validazione dei dati di trascrittomica con tecnologia Real Time".

Nomina Commissione Tecnica:

- Nomina componente commissione tecnica PROCEDURA NEGOZIATA, AI SENSI DELL'ART. 36 COMMA 2, LETT. B) DEL D. LGS N. 50/2016 E S.M.I., MEDIANTE RICHIESTA DI OFFERTA (RDO) SUL MERCATO ELETTRONICO DELLA PUBBLICA AMMINISTRAZIONE (MEPA), TIPOLOGIA CONFRONTO DI PREVENTIVI, PER L'ACQUISIZIONE DI UN "CITOMETRO A FLUSSO", Codice Univoco del Bene PIR01_00017_300788 LAB METABOLOMICS, NELL'AMBITO DEL PROGETTO PON RICERCA E INNOVAZIONE 2014-2020«CNRBIOMICS - PIR01_00017 – CPV 38410000-2 firmata dal Direttore f.f. DSB-CNR Dr. Giuseppe Biamonti in data 30 Settembre 2022
- Nomina componente commissione PER IL COLLAUDO DELLA FORNITURA DI UN "CONTATORE AUTOMATICO DI CELLULE" Codice Univoco del Bene PIR01_00017_300788 LAB METABOLOMICS, NELL'AMBITO DEL PROGETTO PON

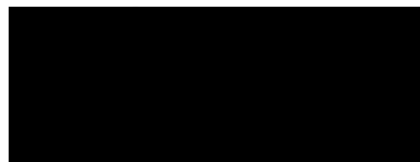


Nomina GDL:

- Nomina del Gruppo di Lavoro, ai sensi dell'art. 114 del D.Lgs. 31 marzo 2023, n. 36, per l'affidamento del servizio di sequenziamento di DNA genomico umano (whole genome sequencing) di circa 2400 soggetti nel contesto del progetto regina (traiettoria POS T3 ministero salute) CUP B53C22002520006 CUI S80054110586202600011. Rilasciata da Prof.ssa Marcella Devoto Direttrice IRGB- Istituto di Ricerca Genetica e Biomedica (prot 201681/2026)

Partecipazioni Manifestazioni Scientifiche in rappresentanza del CNR:

- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** per laboratori didattici nelle scuole primarie del Quartiere Libertà di Bari nell'ambito dell'iniziativa "La Manifattura dei Saperi". Marzo e Aprile 2026.
- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** durante lo svolgimento dell'evento 'L'essenziale è invisibile agli occhi', tenutosi con successo in occasione della Notte dei Ricercatori il 23 settembre 2024 presso Piazza Umberto I di Bari, dalle ore 11 alle ore 23.
- **Referente convenzione e tutor attività didattica** per la settimana della Scienza tra CNR e Istituzione Scolastica I.C. Massari-Galilei. Dal titolo "DNA...indovina chi?", l'esercitazione prevede l'estrazione del DNA da cellule della mucosa boccale e caricamento di PCR su gel di agarosio in data 14-15 e 16 Marzo 2023
- **Proponente e referente dell'Istituto Cnr-Ibiom**, nella pianificazione, progettazione, organizzazione e svolgimento dell'evento 'L'essenziale è invisibile agli occhi', tenutosi con successo in occasione della Notte dei Ricercatori il 29 settembre 2023 presso il Campus Universitario di Bari, dalle ore 11 alle ore 23.
- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** durante la IV Edizione di "Meglio ricercatori che ricercati", tenutosi in data 24 settembre 2019 e organizzato dall'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del CNR in collaborazione con il Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica dell'Università degli Studi di Bari "Aldo Moro" nell'ambito degli eventi della Notte Europea dei Ricercatori promossa dalla Commissione Europea nell'ambito del Progetto ERN-Apulia Marie Skłodowska-Curie actions (UE-H2020-MSCA-NIGHT-2018) rilasciato dall'organizzatrice Nicoletta Guaragnella.
- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** durante la edizione 2019 della Notte dei ricercatori-progetto ERN-Apulia Marie Skłodowska-Curie actions (UE-H2020-MSCA-NIGHT-2018) tenutasi a Bari il 27 Settembre 2019, attestato rilasciato dal Prof. Giuseppe Maruccio
- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** durante la IV edizione di "Light-accendi la luce sulla scienza" finanziato dal MIUR, PON Ricerca e competitività 2007-13, nell'ambito dell'evento "Notte dei ricercatori", il 23 settembre 2011 a Bari in rappresentanza del CNR. Attestato rilasciato dalla dott.ssa Palomba Numero protocollo 0001403.
- **Divulgatore scientifico in rappresentanza del CNR** durante la edizione 2018 della Notte dei ricercatori-progetto ERN-Apulia Marie Skłodowska-Curie actions (UE-H2020-MSCA-NIGHT-2018) rilasciato dal Prof. Giuseppe Maruccio Delegate of the Rector for Research Dipartimento di Matematica e Fisica, Università del Salento CNR NANOTEC - Institute of Nanotechnology



Corsi specializzati:

- _ **NextSeq 2000 Sequencing System** 8 Novembre 2024
- **Training Novaseq6000** 15 e 16 Giugno 2021 attestato rilasciato da Rosignolo Francesca
- **QS12K Instrument Training** 6 Luglio 2021 Attestato rilasciato da serena Grimaldi
- **PacBio Sequel II System Sample Preparation & Instrumentation Training** 8 Ottobre 2021 Attestato rilasciato da Chris Seipert Vice President, Service & Support
- **QS12K Instrument Training.** IBIOM CNR, Bari, 6 Giugno 2021. Attestato rilasciato da Serena Grimaldi, Thermo Fisher.
- **Training for: NovaSeq 6000 System.** IBIOM CNR, Bari, 15-16 Giugno 2021. Attestato rilasciato da Francesca Rosignolo, Field Applications Scientist Illumina, Inc.
- **Training for: Illumina DNA Prep with Enrichment.** IBIOM CNR, Bari, 24-26 Maggio 2021. Attestato rilasciato da Licia Iaccarino, Field Applications Scientist Illumina, Inc.
- **Training: 3500xl Dx, Sequencing and Instrument operation course.** IBIOM CNR, Bari, 18-19 Maggio 2021. Attestato rilasciato dal dr. Cristian Rinaldi, Field Application Scientist Life Sciences Solution.
- **Saphyr System Training on Bionano Technology.** IBIOM CNR, Bari, 15 Aprile 2021. Attestato rilasciato da Lucia Muraro, PhD Field Application Scientist Bionano Genomics.
- **Analisi del microbioma: dalla progettazione alla pubblicazione.** Dipartimento di Biologia Università degli studi di Bari del 12-11-2018 organizzato dalla BMR Genomics.
- **Next Generation Sequencing: practical applications,** 10 Maggio 2016, Dipartimento di medicina veterinaria dell'università degli studi di Bari, attestato rilasciato dal direttore generale Dr. Antonio Fasanella
- **Tutorial "Genome re-Sequencing for the Detection of Genomic Variation in Human Diseases"** NETTAB & IB 2015, 12 Ottobre 2015 Università degli Studi di Bari attestato rilasciato dall'organizzatrice dott.ssa Domenica D'Elia e dai tutor dott. ssa Anna De Grassi e dott. Fabio Iannelli.
- **Tutorial "Analysis of small RNA-Seq Data and Identification of microRNA controlled Pathways"** NETTAB & IB 2015, 13 Ottobre 2015 Università degli Studi di Bari attestato rilasciato dall'organizzatrice dott.ssa Domenica D'Elia e dal tutor dott. Ioannis Vlachos.
- **Life Technologies Ion DNA Fragment Library & Ion PGM System training course,** 8-10 Aprile 2015 CRA-Turi, attestato rilasciato dal dott. Pea Giorgio.
- **Life Technologies QuantStudio 3D Digital PCR System Training,** 24 Settembre Bari attestato rilasciato dal dott. Sangiorgio Lorenzo.
- **allBio/ SeqAhead Workshop on Epigenetics coding and non coding RNAs- Challenging NGS data,** 25-26 Giugno 2014 Bari attestato rilasciato dal dott. Gisel e dott.ssa Stavalone
- **Epigen NGS & Data Analysis workshop,** 9-11 Aprile 2014 Udine, attestato rilasciato dal coordinatore prof. Michele Morgante e dal direttore EPIGEN prof. Giuseppe Macino.
- **Bip-Day 2013 Prima giornata della Bioinformatica Pugliese,** 5-6 Dicembre 2013 Bari attestato rilasciato dal dott. Liuni Sabino, dott.ssa D'Elia Domenica, dott. Gisel Andreas e dott.ssa Tulipano Angelica.
- **Update su microbiota e microbioma intestinale** 10 Giugno 2013 Castellana Grotte attestato rilasciato dal prof. Antonio Francavilla.

- **Workshop 2013 “From nucleic acid to personalized medicine: Innovative approaches to early diagnosis and therapy of tumor diseases”** Università degli studi di Bari 14 Maggio attestato rilasciato dal direttore dell’Istituto di Cristallografia Dr. Michele Saviano
- **Workshop on “NGS and non-coding RNA Data Analysis”** 17-19 Aprile 2013 Bari, attestato rilasciato dall’organizzatore dott. Andreas Gisel.
- **Incontro Utilizzatori 454 Roche Technology** 11-12 Aprile 2013 San Michele all’Adige (Italia) attestato rilasciato dall’ organizzatore dott. Massimo Pindo.
- **Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2012)** – 5-7 Dicembre 2012, Bari (Italia) attestato rilasciato da prof. Graziano Pesole, moderatore workshop
- **ECC e altre sindromi associate a p63** - 8 Giugno 2012, Napoli (Italia) attestato rilasciato da dott.ssa Viola Calabrò Università di Napoli e Luisa Castaldo Presidentessa Associazione Italiana EEC
- **Incontro Utilizzatori Italiani 454 ROCHE Technology** - 3-4 Marzo 2011, Bari (Italia) attestato rilasciato dalle organizzatrici dott.ssa Apollonia Tullo ed dott.ssa Elisabetta Sbisà, ITB-CNR Bari
- **Understanding the Genome (Applied Biosystems)** - 16 Novembre 2010, Bari (Italia) attestato rilasciato da dott. De Biasi specialist Applied
- **Next Generation Sequencing Workshop (NGS)** - 12-14 Ottobre 2011, Bari (Italia) attestato rilasciato da prof. Graziano Pesole, moderatore workshop
- **Next Generation Sequencing Workshop (NGS)** - 6-8 Ottobre 2010, Bari (Italia) attestato rilasciato da prof. Graziano Pesole, moderatore workshop
- **Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2009)** - 16-18 Settembre 2009, Bari (Italia) attestato rilasciato da prof. Graziano Pesole, moderatore workshop

Corsi specializzati all'estero:

Bionano Genomics 2019 Users Group Workshop_Genome Campus Conference Centre, Cambridge 19-20 Giugno 2019, UK

Attestato rilasciato da vice president, global marketing Maggie Rougier Chapman

EMBO Practical Course: Targeted NGS in patients with cancer, mendelian or complex disease Cracovia 19-23 Settembre 2016, Polonia

Attestato rilasciato dal responsabile corsi e workshop EMBO Dr. Anne-Marie Glynn.

Principali temi di ricerca:

La mia attività di ricerca è cominciata in qualità di studente tirocinante nel 2006 per il conseguimento della laurea triennale, presso il Dipartimento di Fisiologia dell'Università degli Studi di Bari, sotto la guida del Prof. Giuseppe Cassano. Durante tale periodo ho acquisito esperienze di metodologie di fisiologia applicate allo studio dell'attività di glicoproteine responsabili dell'espulsione di composti estranei alle cellule tra cui farmaci anticancerogeni. L'efflusso di sostanze fluorescenti è stato misurato con una tecnica di Video Imaging. Per il conseguimento della laurea Specialistica in Scienze Biosanitarie, ho svolto il periodo di internato da ottobre 2007 a ottobre 2008 presso il laboratorio di Biologia molecolare dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del CNR di Bari (ITB) sotto la guida delle dottoresse Tullo e Sbisà. Il gruppo di ricerca a cui ancor oggi appartengo si occupa da anni dello studio dell'oncosoppressore p53 e degli altri membri della famiglia genica ad esso correlati (p63 e p73). Il mio



lavoro di tesi ha avuto come argomento principale lo studio della regolazione di un nuovo target trascrizione di p53, una proteina chiamata Trim8, e della capacità di quest'ultima di stabilizzare p53 ed indurre arresto della proliferazione cellulare. (MF. Caratozzolo et al., *TRIM8: Making the Right Decision between the Oncogene and Tumour Suppressor Role*. Genes 2017; M. F. Caratozzolo et al., *TRIM8 modulates p53 activity to dictate cell cycle arrest*. 2012 Cell Cycle.) Negli anni seguenti abbiamo dimostrato il ruolo svolto da TRIM8 nella resistenza ai chemioretipici caratteristica di forme aggressive tumorali come il carcinoma renale a cellule chiare (MF. Caratozzolo et al., *TRIM8 Blunts the Pro-proliferative Action of Δ Np63 α in a p53 Wild-Type Background*; MF. Caratozzolo et al., *TRIM8 anti-proliferative action against chemo-resistant Renal Cell Carcinoma*. 2014 Oncotarget.; Mastropasqua et al., *TRIM8 restores p53 tumour suppressor function by blunting N-MYC activity in chemo-resistant tumours* 2017 Molecular Cancer.)

Durante il triennio del dottorato (2009-2012) svolto presso il Dipartimento di Biomedicina dell'età evolutiva (Policlinico, Università degli studi di Bari), in collaborazione con l'ITB di Bari, ho esteso i temi della mia ricerca ai pathways coinvolti nei deficit accrescitivi che colpiscono bambini nello sviluppo pre e post-natale. Nello specifico il mio argomento di tesi è stato lo studio funzionale sulla regolazione dell'espressione del gene IGFBP3 da parte di polimorfismi presenti nel gene e di fattori di trascrizione appartenenti alla famiglia genica di p53. In particolare è stata esaminata la frequenza allelica dei polimorfismi -795G/A, - 667G/A, -396C/T in un gruppo di bambini SGA dell'Italia meridionale e il loro ruolo funzionale. Abbiamo inoltre dimostrato come il fattore di trascrizione p73 regolasse l'espressione genica di IGFBP3 legando le Responsive Elements in esso presenti. (F. Marzano et al., *The p53 family member p73 modulates the pro-proliferative role of IGFBP3 in short children born SGA*. 2015 Mol Biol Cell; M.F. Faienza*, F. Marzano* et al., *Regulation of IGFBP3 gene expression in short children born small for gestational age*. 2011 Growth Hormone & IGF Research).

Nei tre anni di dottorato, oltre alle ricerche precedentemente descritte, ho instaurato diverse collaborazioni con i clinici e allo stesso tempo mi sono occupata di eseguire diagnosi cliniche, presso il laboratorio di biologia molecolare del Dipartimento di Biomedicina dell'Età Evolutiva, in quanto centro di riferimento regionale per la sindrome di Noonan. La sindrome di Noonan è una malattia genetica caratterizzata da un insieme di malformazioni congenite dell'individuo, le cui cause sono da attribuirsi a mutazioni a carico di geni come PTPN11, RAF1, KRAS, NRAS, SOS1. (attestato rilasciato del responsabile della sezione Pediatrica prof. Cavallo. MF. Faienza, et al., *Postmenopausal osteoporosis: the role of immune system cells*. 2013 Clinical and Developmental Immunology, *The Cross-Talk between the Bone and the Immune System: Osteoimmunology*; MF. Faienza et al., *Oxidative stress in obesity and metabolic syndrome in children and adolescents*. 2012; *Hormone Research in Paediatric*; G. Brunetti et al., *Genotype-phenotype correlation in Juvenile Paget disease: role of molecular alterations of the TNFRSF11B gene*. 2012 Endocrine). Sempre nell'ambito di patologie pediatriche con deficit accrescitivi gravi, ho effettuato l'analisi del trascrittoma e dell'esoma di bambini affetti dalla Sindrome di Majewski, sindrome rara. Mediante lo studio dell'RNA-Seq ho identificato una downregolazione di geni associati a pathways proliferativi; riguardo l'Exome-Seq mi sono specializzata nell'identificazione di mutazioni *de novo* e a trasmissione mendeliana analizzando e comparando il set di mutazioni del probando con i rispettivi consanguinei (Trio Analysis). Ho lavorato alla validazione e analisi dei dati ottenuti da esperimenti di RNA-seq e Whole exome-seq utilizzando pipeline e database differenti e correlando i dati molecolari con quelli clinici (MF. Faienza et al., *Effect of recombinant insulin-like growth factor-I (rhIGF-I) treatment on short-term linear growth in a child with Majewski Osteodysplastic Primordial Dwarfism type II (MOPD II) and hepatic insufficiency*.

2013 *Journal of Pediatric Endocrinology and Metabolism (JPEM)*; Negli ultimi anni ho condotto studi su microRNAs circolanti identificabili come possibili biomarcatori molecolari di sviluppo di alterazioni metaboliche sia in bambini piccoli per età gestazionale (SGA) (Marzano F et al., *Pilot study on circulating miRNA signature in children with obesity born small for gestational age and appropriate for gestational age*) che in campo oncologico su microRNA vegetali come possibili molecole farmacologiche in patologie neurodegenerative o nel il cancro (Marzano F. et al., *Plant miRNAs reduce cancer cell proliferation by targeting MALAT1 and NEAT1: a beneficial cross-kingdom interaction*; Milella R.A. *Microarray data and pathway analyses of peripheral blood mononuclear cells from healthy subjects after a three-week grape-rich diet*; Milella R.A. *Gene expression signature induced by grape intake in healthy subjects reveals wide-spread beneficial effects on peripheral blood mononuclear cells.*)

Dal termine del dottorato ad oggi partecipo attivamente a progetti di ricerca scientifici come Virtualab PON01_01297, Micromap PON01_02589, Diclimax e Lifewatch (*Attestato N. 0001521 del 07/07/2016 rilasciato dalla responsabile del laboratorio dell'ITB dott.ssa Elisabetta Sbisà; Attestato N. 0000990 del 28/04/2016 rilasciato dal responsabile di sede ITB dott. Sabino Liuni*).

Ho acquisito competenze specifiche nello studio, realizzazione, sviluppo e utilizzo di workstation automatizzate come l'OMNIA LH75 (Masmec) e ho sviluppato un approfondito knowhow nell'ambito delle piattaforme highthroughput, quali le piattaforma di sequenziamento 454 GS-FLX ROCHE, MiSeq, NextSeq500 e Novaseq6000 Illumina Novaseq6000 (Illumina) sviluppando in relazione ad esse esperienza nello sviluppo e nell'applicazione di protocolli per la preparazione e sequenziamento di librerie di DNA, cDNA e microRNA, e Bionano Genomics piattaforma in grado di rilevare le variazioni strutturali delle molecole di DNA.

In questi anni di attività scientifica, ho avuto modo di acquisire competenze che riguardano lo studio e la manipolazione di molecole biologiche, quali DNA, RNA e proteine di applicare le principali metodiche di biologia molecolare e cellulare, mettendo a punto protocolli specifici per estrazioni di DNA, RNA e miRNAs da differenti matrici come colture cellulari, sangue, saliva, capelli, siero e plasma (C. Calabrese et al., *A platform independent RNA-Seq protocol for the detection of transcriptome complexity. 2013 BMC Genomics*; C. Calabrese et al., *Respiratory complex I is essential to induce a Warburg profile in mitochondria-defective tumor cells. 2013 Cancer & Metabolism*; A. Consiglio et al., *A fuzzy method for RNA-Seq differential expression analysis in presence of multireads. 2016 BMC Informatics*).

Conoscenze di tecniche biologia molecolare e cellulare:

- Next Generation Sequencing (NGS) di acidi nucleici: genomica e trascrittomica con piattaforma 454 Roche GS-FLX, Illumina Novaseq6000 e Nextseq2000, Pacbio
- Mappatura ottica del genoma con sistema Bionano.
- Sistemi automatizzati di preparazione librerie sequenziamento
- Sequenziamento di DNA (genomico, frammenti di PCR, cloni plasmidici, ecc.) mediante sequenziatore ABI PRISM 310 e 3500xl Dx.
- Estrazione e relative analisi qualitative e quantitative di DNA, RNA e proteine derivanti da differenti matrici (colture cellulari, sangue, siero ecc)
- RNA interference (siRNA)
- PCR (Polimerase Chain Reaction)

- Real-time PCR, Step One e QS12K Instrument.
- Digital PCR
- DNA fingerprinting
- Elettroforesi su gel di agarosio o di acrilammide
- Colture cellulari
- Microscopia a fluorescenza
- Western blot
- Clonaggio di frammenti di DNA in vettori plasmidici
- Estrazione di DNA plasmidico
- Saggi reporter (saggi CAT e Luciferasi)
- Immunoprecipitazione della cromatina (ChIP)

Conoscenze informatiche:

- Certificato **ECDL IT-Security – Livello Specialised** conseguito il 18/05/2017 N IT 2246088 rilasciato dal Presidente AICA
 - Programmi di analisi di dati di espressione NGS (String, DAVID, WEP, miRTarbase)
 - Programmi di acquisizione e analisi associati a sequenziatori semi-automatici (ABI PRISM Sequencing Analysis, FinchTV)
 - Programmi di acquisizione e analisi associati a Real Time PCR systems (SDS2.2.1 per analisi 7900HT RealTime PCR)
 - Utilizzo databases bioinformatici (Ensemble Genome Browser, UCSC, p53FamTAG)
 - Programmi di analisi sequenze genomiche (pacchetto DNA star per PC, PatSearch)
- Altro : Adobe Photoshop, Pacchetto Office.

Conoscenze linguistiche:

Cambridge English Entry Level Certificate in ESOL International (Entry 2) Reference Number 176IT1600030 Accreditation Number 500/2416/4 Attestato rilasciato da Saul Nassè Chief Executive il 21/07/2017 numero di certificato 0058107660

Italiano: lingua nativa

Inglese: buono scritto e parlato

Partecipazione a procedure selettive per posizioni da Ricercatore

Bando di selezione n. **DR 2327 SSD_BIO_11**

D.R. di approvazione atti: n. **4041 del giorno 19/11/2021**

Selezione pubblica, per titoli e discussione pubblica, per la copertura di n. 1 posto di Ricercatore universitario a tempo determinato, mediante stipula di contratto di lavoro subordinato della durata di 36 mesi, ai sensi dell'art.24, comma 3, lett. b), Legge 240/10, con regime di impegno a tempo pieno, per il settore concorsuale 05/E2 – Biologia Molecolare e il settore scientifico disciplinare BIO/11 – Biologia Molecolare – presso il Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica dell'Università degli Studi di Bari Aldo Moro. Giudicato **IDONEO NON VINCITORE**



Bando di selezione n. **DR 1701_2020 SSD_BIO_11**

Provvedimento graduatoria **Decreto Rettorale n. 3340 del 24 novembre 2020**

Altre informazioni: selezione pubblica per la copertura di n. 1 posto di ricercatore universitario a tempo determinato, mediante stipula di contratto di lavoro subordinato della durata di 36 mesi, con regime di orario a tempo pieno, ai sensi dell'art.24, comma 3, lett. a) della Legge 240/2010, per il settore concorsuale 05/E2 –Biologia Molecolare e il settore scientifico disciplinare BIO/11 Biologia Molecolare presso il Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica (codice concorso R1701/2020), su fondi rinvenienti dal Programma Regionale REFIN –cod. pratica 1A32D6F0
Giudicato **IDONEO VINCITORE con successiva rinuncia**

Bando di selezione n. **367.43 DSB IBBE RIC**

Provvedimento di graduatoria **PROT. AMMCEN n. 0066055/2017 data 13/10/2017**

Altre informazioni: Concorso pubblico per titoli ed esami per l'assunzione con contratto di lavoro a tempo pieno e indeterminato di una unità di personale profilo Ricercatore, III livello professionale presso l'Istituto di Biomembrane e Bioenergetica di Bari (ora Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari – IBIOM) del Consiglio Nazionale delle Ricerche.
Giudicato **IDONEO NON VINCITORE**

Bando di selezione n. **366.57**

Provvedimento di graduatoria **Prot. AMMCEN n. 0053404 data 07/08/2018**

Altre informazioni: Concorso per titoli e colloquio, riservato al personale in possesso dei requisiti di cui all'art. 20, comma 2, del D.Lgs. n. 75/2017, per l'assunzione con contratto di lavoro a tempo pieno e indeterminato di 3 unità di personale profilo Ricercatore - III livello professionale - Area strategica Biomedicina Cellulare e Molecolare
Giudicato **IDONEO NON VINCITORE**

Responsabilità di progetto:

- **CO-PI_PRIN: PROGETTI DI RICERCA DI RILEVANTE INTERESSE NAZIONALE – Bando 2022 PNRR Prot. P2022RLLBB.** Titolo “Plasma membrane amino acid transporters and VDACS in the metabolic rewiring of glioblastoma: from multi-omic approaches to targeted treatment”.
- **CO-PI_PRIN: PRIN: PROGETTI DI RICERCA DI RILEVANTE INTERESSE NAZIONALE – Bando 2022 Prot. 2022E75TWB.** Titolo “Dissecting a molecular mechanism for cardiac hypertrophy in hypertension: roles of mitochondrial NDUFC2-dependent Complex I dysfunction and of mitochondrial permeability transition”
- **Responsabile WP3- Empowering the ELIXIR-IT Integrative Omics Infrastructure A.3.1-Genomic Serces CNR IBIOM del Progetto IR0000010 ELIXIRxNextGenerationIT CONSOLIDAMENTO DELL'INFRASTRUTTURA ITALIANA PER DATI OMICI E LA BIOINFORMATICA- CUP B53C22001800006**

Incarico di Responsabilità:

Responsabile della Piattaforma Omics del nodo Italiano dell'Infrastruttura Elixir dal 2025 ad oggi.

Partecipazione a progetti scientifici:

- 1) Progetto europeo Call: DIGITAL-2023-CLOUD-AI-04 Type of Action: DIGITAL-SIMPLE, Acronym: GoE, G.A. Nr: 10116823, Start Date: 01 October 2024, Duration: 42 months - CUP B53C24010140006
- 2) Progetto di ricerca "IDF SHARID – Innovative Devices For SHAPing the RIsk of Diabetes", codice identificativo ARS01_01270 nell'ambito della Ricerca Industriale e Sviluppo Sperimentale nelle 12 Aree di specializzazione individuate dal PNR 2015-2020 (dal 12-12-2019 al 02-09-2022).
- 3) Progetto PON «R&I» 2014-2020 - Azione II – OS 1.b - Progetto di Ricerca ARS01_00906 dal titolo "TITAN - Nanotecnologie per l'immunoterapia dei tumori" dal 12-04-2021 al 30-06-2023
- 3) HORIZON EUROPE- HORIZON-INFRA-2021-EMERGENCY-01, Acronimo "BY-COVID", Grant n. 101046203 - Titolo Progetto "BeYond COVID" dal 01/07/2022 al 30/09/2024
- 4) Progetto HORIZON EUROPE- HORIZON-INFRA-2021-EOSC-01, Acronimo "EuroScienceGateway", Grant n. 101057388 - Titolo Progetto "Leveraging the European compute infrastructures for data-intensive research guided by FAIR principles" dal 01/11/2022 al 31/08/2025
- 5) Progetto DIGITAL-2021-CLOUD-AI-01, Acronimo "GDI", Grant n. 101081813 - Titolo Progetto "Genome Data Infrastructure" 01/11/2022 al 31/10/2026
- 6) REte di Genomica Integrata per Nuove Applicazioni in medicina di precisione – REGINA, codice Progetto T3-AN-03 CUP B53C22002520006 - ammesso al finanziamento con Decreto Direttoriale Ministero Salute n. 2515 del 04/07/2022 - Finanziamento a valere sul PSC Salute, Traiettorie 3- Medicina rigenerativa, predittiva e personalizzata".
- 7)PROGETTO ELIXIR-IIB PREVISTO NELLA ROADMAP ESFRI CUP B92F17000320005.**
Tematica: "SVILUPPO ED IMPLEMENTAZIONE DI NUOVE METODOLOGIE SPERIMENTALI E BIOINFORMATICHE PER ANALISI OMICHE INTEGRATE DEL MICROBIOMA UMANO". Conferimento incarico rilasciato dal Direttore dell'IBIOM Graziano Pesole N. protocollo 0000562 data 28/04/2020
- 8)LIFEWATCH PREVISTO NELLA ROADMAP ESFRI** Attività principale "Sviluppo di strumenti bioinformatici innovativi per lo studio della Biodiversità Molecolare". Finalità del progetto: i ricercatori possono avvalersi, grazie a LifeWatch, di spazi di ricerca virtuali "attrezzati" con strumenti informatici, in continua evoluzione, per la condivisione, la gestione, l'analisi e la modellizzazione dei dati. Conferimento incarico rilasciato dal Direttore dell'IBIOM Graziano Pesole N. protocollo AMMCEN 0041205/2017 data 21/06/2017
- 9)DICLIMAX MTJU9H8** "Strumentazione per diagnostica clinica basata su next generation sequencing di acidi nucleici" Attività principale: "Analisi di protocolli NGS rivolti a diagnosi clinica di patologie oncologiche; Studio e concezione del sistema robotico di preparazione NGS; Studio e concezione del sistema di analisi e diagnosi basato su NGS; metodica e integrazione di protocolli e dispositivi (kit reagenti). Finalità del progetto: Studiare, concepire e realizzare un sistema diagnostico basato NGS. Risultati ottenuti: E' stata sviluppata un prototipo sottoforma di piattaforma per la

diagnostica con metodologia NGS validato sia strumentalmente, sia clinicamente. Conferimento incarico rilasciato dal Direttore Graziano Pesole protocollo N. 0001105 data 07/09/2016.

10)VIRTUALAB PON01_01297 "Virtualab-Sistemi Avanzati di Meccatronica Biomedicale di Diagnosi e Terapia Medica basati su Realtà Virtuale e Aumentata, Microelettronica e su laboratori robotizzati ad elevato throughput" Attività principale: "Sviluppo di tecniche di alto throughput per le analisi qualitative e quantitative degli acidi nucleici per scopi diagnostici " Finalità del progetto: Studiare, concepire e sviluppare piattaforme automatizzate high throughput, in grado di effettuare analisi qualitative e quantitative di RNA e DNA estratti da diverse matrici. Risultati ottenuti: E' stata sviluppata e commercializzata una piattaforma automatizzata in grado di manipolare liquidi di diversa natura, dispensare e miscelare volumi anche minimi di soluzioni, preparare piastre multiwell per analisi qualitative e quantitative di acidi nucleici. Conferimento assegno rilasciato dal Direttore Luigi Zecca protocollo N. 0001711 data 10/07/2012.

11)MICROMAP PON01_02589 "Sviluppo di una piattaforma tecnologica multiplex per diagnostica molecolare, portatile ed automatizzata, basata sulla logica strumentale del Lab-on-chip, in grado di consentire applicazioni multiparametriche in campo infettivologico" Attività principale: "Caratterizzazione su larga scala del profilo metatrascrittomico e metagenomico di campioni animali in diverse condizioni fisiopatologiche" Finalità del progetto: Il progetto mira a realizzare, sperimentare e validare sotto il profilo tecnologico, diagnostico e di sostenibilità economica una serie di pannelli volti alla diagnosi infettivologica di carattere multiparametrico oltre che una piattaforma bioinformatica da utilizzare per l'interpretazione della mole di dati prodotti dalla ricerca. Il fine ultimo è la realizzazione di una piattaforma tecnologica innovativa multiplex per diagnostica molecolare basata sulla tecnologia del Lab-on-a-chip (LOC), progettato per implementare ed eseguire in modo automatico (grazie alle funzionalità incorporate nel sistema di gestione esterno alla card) un protocollo analitico completo (estrazione, amplificazione, rivelazione) utile a fini diagnostici. Risultati ottenuti: Gli esperimenti condotti utilizzando la piattaforma di sequenziamento NGS 454 GS FLX+ Roche hanno permesso di evidenziare le variazioni nel profilo trascrittomico e metatrascrittomico di 8 pazienti affetti da Sclerosi Multipla (SM) e relativi 8 fratelli gemelli sani (controlli), partendo da cellule mononucleate ottenute da sangue periferico, con la conseguente valutazione dell'implicazione della eventuale componente virale (Epstein Barr virus), e in generale del microbioma, nell'insorgenza della malattia. I dati ottenuti sono stati validati utilizzando altre tecniche di biologia molecolare (es. Real Time-qPCR), rafforzando la validità dei dati ottenuti in fase di analisi e dell'approccio utilizzato, estendibile anche ad altri tipi di matrici organiche e ad altri microsystemi (es. microbioma intestinale). Inoltre, i risultati ottenuti hanno permesso l'implementazione dei work-flow di analisi NGS, rappresentando una base solida per lo sviluppo di protocolli analitici da utilizzare a fini diagnostici. Attestato rilasciato dal responsabile di sede dott. Sabino Liuni e dal responsabile scientifico dott.ssa Apollonia Tullo protocollo N.0000990 del 28/04/2016.

Pubblicazioni internazionali:

1. Crossing the Borders: the amino acid transporter LAT1 (SLC7A5) in the Blood-Brain Barrier. Mariafrancesca Scalise, Raffaella Scanga, Lara Console, Michele Galluccio, **Flaviana Marzano**, Andrea Magrì, Lorena Pochin, Cesare Indiveri. Neurochem Int doi: 10.1016/j.neuint.2025.106070. Epub 2025 Oct 8. . 2025 Dec:191:106070

2. Splenomegaly in de novo acute myeloid leukemia is associated with ASXL1 mutations together with a peculiar clinical and gene expression profile. Francesco Tarantini^{1†}, Nicoletta Coccaro^{1†}, Cosimo Cumbo^{1†}, Immacolata Redavid¹, Luisa Anelli¹, Antonella Zagaria¹, Elisa Parciante¹, Maria Rosa Conserva¹, Giuseppina Tota¹, Crescenzo Francesco Minervini¹, Angela Minervini¹, Mariano Francesco Caratozzolo², **Flaviana Marzano**², Claudia Telegrafo², Bachir Balech², Anna Mestice¹, Vito Pier Gagliardi¹, Mario Delia¹, Paola Carluccio¹, Maria Giovanna Macchia¹, Apollonia Tullo², Giorgina Specchia³, Pellegrino Musto¹, Francesco Albano^{1*} Biomark Res. 2025 Oct 22;13(1):131. doi: 10.1186/s40364-025-00833-8.

3. RUNX1A isoform is overexpressed in acute myeloid leukemia and is associated with FLT3 internal tandem duplications. Cosimo Cumbo # 1 , Francesco Tarantini # 1 , Elisa Parciante # 1 , Luisa Anelli 1 , Antonella Zagaria 1 , Giuseppina Biondi 2 , Mariano Francesco Caratozzolo 3 , Paola Orsini 4 , Nicoletta Coccaro 1 , Giuseppina Tota 1 , Immacolata Redavid 1 , Maria Rosa Conserva 1 , Angela Minervini 1 , Crescenzo Francesco Minervini 1 , Vito Pier Gagliardi 1 , Mario Delia 1 , **Flaviana Marzano** 3 , Claudia Telegrafo 3 , Sharon Natasha Cox 5 , Annalisa Natalicchio 2 , Bachir Balech 3 , Apollonia Tullo 3 , Mattia Gentile 4 , Francesco Giorgino 2 , Giorgina Specchia 6 , Pellegrino Musto 1 , Francesco Albano. Cancer Gene Ther 2025 Sep;32(9):963-972. doi: 10.1038/s41417-025-00939-z. Epub 2025 Jul 15.

4. Polydatin reactivates mitochondrial bioenergetics and mitophagy while preventing premature senescence by modulating microRNA-155 and its direct targets in human fibroblasts with trisomy 21. Daniela Valenti ¹ , Daniela Isabel Abbrescia ² , **Flaviana Marzano** ² , Giampietro Ravagnan ³ , Apollonia Tullo ² , Rosa Anna Vacca ⁴ . Free Radic Biol Med. 2025 Apr 23;235:200-212. doi: 10.1016/j.freeradbiomed.2025.04.032.

5. Transcriptomic analysis of the immune response to in vivo Gene Electrotransfer in colorectal cancer. Mariangela De Robertis,1,2* TimBozic,3,4* Iva Santeck,3,4 **Flaviana Marzano**,2 Bostjan Markelc,3,5 Domenico Alessandro Silvestris,1 Apollonia Tullo,2 Graziano Pesole,1,2 Maja Cemazar,3,6 Emanuela Signori. Molecular Therapy Nucleic Acids. 2025 Mol Ther Nucleic Acids 2025 Jan 16;36(1):102448. doi: 10.1016/j.omtn.2025.102448. eCollection 2025 Mar 11.

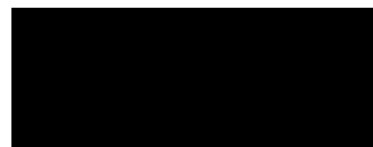
6. Deep intronic ETFDH variants represent a recurrent pathogenic event in multiple acyl-CoA dehydrogenase deficiency. Martino S, D'Addabbo P, Turchiano A, Radio

FC, Bruselles A, Cordeddu V, Mancini C, Stella A, Laforgia N, Capodiferro D, Simonetti S, Bagnulo R, Palumbo O, **Marzano F**, Tabaku O, Garganese A, Stasi M, Tartaglia M, Pesole G, Resta N. Int J Mol Sci. 2024 Sep 5;25(17):9637. doi: 10.3390/ijms25179637. PMID: 39273584 Free PMC article. Q1

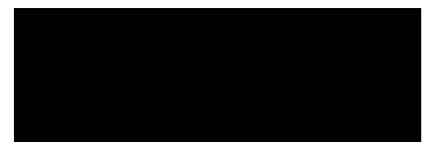
7. Molecular mechanisms of thalidomide effectiveness on COVID-19 patients explained: ACE2 is a new $\Delta Np63\alpha$ target gene. Monteonofrio L, Virdia I, Pozzi S, Quadri R, Amendolare A, **Marzano F**, Braile M, Sulfaro V, Paroni M, Tullo A, Soddu S, Guerrini L. J Mol Med (Berl). 2024 Nov;102(11):1371-1380. doi: 10.1007/s00109-024-02485-x. Epub 2024 Sep 18. PMID: 39294414 Q1
8. Janja Raonić , Maša Ždralović, Ljiljana Vučković, Milena Šunjević, Vladimir Todorović, Filip Vukmirović, **Flaviana Marzano**, Apollonia Tullo, Sergio Giannattasio , Miodrag Radunović. miR-29a expression negatively correlates with Bcl-2 levels in colorectal cancer and is correlated with better prognosis. Pathol Res Pract. 2024 Jul 31;262:155491. doi: 10.1016/j.prp.2024.155491. Online ahead of print. Q2
9. **Marzano, F**; Chiara, M; Consiglio, A; D'Amato, G; Gentile, M; Mirabelli, V; Piane, M; Savio, C; Fabiani, M; D'Elia, D; Sbisà, E; Scarano, G; Lonardo, F; Tullo, A; Pesole, G; Faienza, MF Whole-Exome and Transcriptome Sequencing Expands the Genotype of Majewski Osteodysplastic Primordial Dwarfism Type II. Int J Mol Sci. 2023 Jul 31;24(15):12291. doi: 10.3390/ijms241512291.**IF 4.9** Q1
10. Ždralović M, Raonić J, Popovic N, Vučković L, Rovčanin Dragović I, Vukčević B, Todorović V, Vukmirović F, **Marzano F**, Tullo A, Guaragnella N, Giannattasio S, Radunović M. The role of miRNA in colorectal cancer diagnosis: A pilot study. ONCOLOGY LETTERS 25: 267, 2023. Q3
11. Vacca R, Augello A, Gallo L, Caggianese G, Malizia V, La Grutta S, Murero M, Valenti D, Tullo A, Balech B, **Marzano F**, Ghezzi A, Tancredi G, Turchetta A, Riccio MP, Bravaccio C, Scala I. Serious Games in the new era of digital-health interventions: A narrative review of their therapeutic applications to manage neurobehavior in neurodevelopmental disorders. Neurosci Biobehav Rev 2023 Jun;149:105156. doi: 10.1016/j.neubiorev.2023.105156. Epub 2023 Apr 3. Q1
12. Amendolare A, **Marzano F**, Petruzzella V, Vacca RA, Guerrini L, Pesole G, Sbisà E, Tullo A. The Underestimated Role of the p53 Pathway in Renal Cancer. Cancers (Basel). 2022 Nov 22;14(23):5733. doi: 10.3390/cancers14235733.ISSN 2072-6694 Q1
13. Rovčanin Dragović I, Popović N, Ždralović M, Radulović L, Vuković T, **Marzano F**, Tullo A, Radunović M. Inflammation-Related microRNAs-146a and -155 Are Upregulated in Mild Cognitive Impairment Subjects Among Older Age Population in Montenegro. J Alzheimers Dis. 2022;90(2):625-638. doi: 10.3233/JAD-220676, ISSN 1387-2877 Q2
14. De Robertis M, Greco MR, Cardone RA, Mazza T, **Marzano F**, Mehterov N, Kazakova M, Belev N, Tullo A, Pesole G, Sarafian V, Signori E. Upregulation of YKL-40 Promotes

Metastatic Phenotype and Correlates with Poor Prognosis and Therapy Response in Patients with Colorectal Cancer. Cells. 2022 Nov 11;11(22):3568. doi: 10.3390/cells11223568.Q1

15. **Marzano F**, Guerrini L, Pesole G, Sbisà E, Tullo A. Emerging Roles of TRIM8 in Health and Disease. Cells. 2021, 10(3), 561; Review <https://doi.org/10.3390/cells10030561>. ISSN: 2073-4409 IF 4.326 Q2
16. **Marzano F**, Caratozzolo MF, Pesole G, Sbisà E, Tullo A. TRIM Proteins in Colorectal Cancer: TRIM8 as a Promising Therapeutic Target in Chemo Resistance. Biomedicines. 2021 Feb 27;9(3):241. doi: 10.3390/biomedicines9030241. ISSN: 2227-9059 IF 4.757 Review Q2 Q1
17. **Marzano F**, Caratozzolo MF, Consiglio A, Licciulli F, Liuni S, Sbisà E, D'Elia D, Tullo A, Catalano D. Plant miRNAs reduce cancer cell proliferation by targeting MALAT1 and NEAT1: a beneficial cross-kingdom interaction Frontiers in Genetics, section Nutrigenomics 2020 Sep 18;11:552490. doi: 10.3389/fgene.2020.552490 ISSN: 1664-8021 IF 4.772 Q2
18. Milella R.A. Gasparro M. Alagna F. Cardone M.F. Rotunno S., Ammollo CT., Semeraro F., Tullo A., **Marzano F**., Catalano D., Antonacci D., Colucci M., D'Elia D. Microarray data and pathway analyses of peripheral blood mononuclear cells from healthy subjects after a three-week grape-rich diet. Data in brief. Volume 29, April 2020, 105278 ISSN: 2352-3409 IF 1.133 Q3
19. Milella R.A. Gasparro M. Alagna F. Cardone M.F. Rotunno S., Ammollo CT., Semeraro F., Tullo A., **Marzano F**., Catalano D., Antonacci D., Colucci M., D'Elia D. Gene expression signature induced by grape intake in healthy subjects reveals wide-spread beneficial effects on peripheral blood mononuclear cells. Journal of Functional Foods Volume 64, January 2020, 103705 ISSN 1756-4646 IF 4.451 Q2
20. Caratozzolo MF*, **Marzano F***, Abbrescia DI, Mastropasqua F, Petruzzella V, Calabrò V, Pesole G, Sbisà E, Guerrini L, Tullo A. TRIM8 Blunts the Pro-proliferative Action of $\Delta Np63\alpha$ in a p53 Wild-Type Background. Front Oncol. 2019 Nov 5;9:1154. doi: 10.3389/fonc.2019.01154. eCollection 2019. ISSN 2234-943X IF 6.244 Q2
21. A. Valletti, **F. Marzano**, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo. Targeting Chemoresistant Tumors: Could TRIM Proteins-p53 Axis Be a Possible Answer? Int J Mol Sci. 2019 Apr 10;20(7). pii: E1776. doi: 10.3390/ijms20071776. Review. ISSN 1661-6596 IF 6.208 Q1 Q2
22. **F. Marzano**, M.F. **Faienza**, M.F. Caratozzolo, G. Brunetti, M. Chiara, DS. Horner, A. Annese, AM. D'Erchia, A. Consiglio, G. Pesole, E. Sbisà, E. Inzaghi, S. Cianfarani, A. Tullo. Pilot study on circulating miRNA signature in children with obesity born small for gestational age and appropriate for gestational age. Pediatric Obesity. 2018 Aug 29. doi: 10.1111/ijpo.12439. [Epub ahead of print] ISSN:2047-6310 IF 3.910



23. MF. Caratozzolo, **F. Marzano**, F. Mastropasqua, E. Sbisà, A. Tullo. TRIM8: Making the Right Decision between the Oncogene and Tumour Suppressor Role. *Genes* (Basel). 2017 Nov 28;8(12). doi: 10.3390/genes 8120354. Review. **ISSN 2073-4425 IF 4.141 Q2**
24. F. Mastropasqua, **F. Marzano**, A. Valletti, I. Aiello, G. Di Tullio, A. Morgano, S. Liuni, E. Ranieri, L. Guerrini, G. Gasparre, E. Sbisà, G. Pesole, A. Moschetta, MF. Caratozzolo, A. Tullo TRIM8 restores p53 tumour suppressor function by blunting N-MYC activity in chemo-resistant tumours. *Mol Cancer*. 2017 Mar 21;16(1):67. doi: 10.1186/s12943-017-0634-7. **ISSN: 1476-4598 IF 30.612 Q1**
25. A. Consiglio, C. Mencar, G. Grillo, **F. Marzano**, MF. Caratozzolo, S. Liuni. A fuzzy method for RNA-Seq differential expression analysis in presence of multireads. *BMC Bioinformatics* 2016 17(Suppl 12):1195 DOI: 10.1186/s12859-016-1195-2. **ISSN: 1471-2105 IF 3.307 Q2 Q1**
26. **F. Marzano**, A. Ventura, MF. Caratozzolo, I. Aiello, F. Mastropasqua, G. Brunetti, L. Cavallo, E. Sbisà, MF. Faienza, A. Tullo The p53 family member p73 modulates the pro-proliferative role of IGFBP3 in short children born SGA. *Mol Biol Cell*. 2015 Aug 1;26(15):2733-41. doi: 10.1091/mbc.E15-02-0105. Epub 2015 Jun 10. **ISSN: 1939-4586 IF 3.612 Q3**
27. MF. Caratozzolo, A. Valletti, M. Gigante, I. Aiello, F. Mastropasqua, **F. Marzano**, P. Ditunno, G. Carrieri, H. Simonnet, AM. D'Erchia, E. Ranieri, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo. TRIM8 anti-proliferative action against chemo-resistant Renal Cell Carcinoma. *Oncotarget*. 2014 Sep 15; 5(17):7446-57. **ISSN: 1949-2553 IF 3.765 Q2 Q1**
28. C. Calabrese, M. Mangiulli, C. Manzari, AM. Paluscio, MF. Caratozzolo, **F. Marzano**, I. Kurelac, AM. D'Erchia, D. D'Elia, F. Licciulli, S. Liuni, E. Picardi, M. Attimonelli, G. Gasparre, AM. Porcelli, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo. A platform independent RNA-Seq protocol for the detection of transcriptome complexity. *BMC Genomics*. 2013 Dec 5;14:855. doi: 10.1186/1471-2164-14-855 epub 5 **ISSN: 1471-2164 IF 4.547 Q1**
29. MF. Faienza, A. Ventura, **F. Marzano** and L. Cavallo. Postmenopausal osteoporosis: the role of immune system cells. *Clinical and Developmental Immunology, The Cross-Talk between the Bone and the Immune System: Osteoimmunology* 2013;2013:575936. doi: 10.1155/2013/575936 Epub 2013 May 23 **ISSN: 1740- 2522 IF 3,064**
30. C. Calabrese, L. Iommarini, I. Kurelac, M. A. Calvaruso, M. Capristo, P.L. Lollini, P. Nanni, G. Nicoletti, C. De Giovanni, A. Ghelli, V. Giorgio, M. Caratozzolo, **F. Marzano**, C. Manzari, C. M Betts, V. Carelli, C. Ceccarelli, M. Attimonelli, G. Romeo, M. Rugolo, A. Tullo, G. Gasparre, A. M. Porcelli, R. Fato and C. Bergamini. Respiratory complex I is essential to induce a Warburg profile in mitochondria-defective tumor cells. *Cancer & Metabolism* 2013, 1:11 doi:10.1186/2049-3002-1-11. **ISSN: 2049-3002 IF 5.146 Q1**
31. MF. Faienza, A. Acquafredda, M. D'Aniello, L. Soldano, **F. Marzano**, A. Ventura, L. Cavallo. Effect of recombinant insulin-like growth factor-1 (rhIGF-1) treatment on short-term linear growth in a child with Majewski Osteodysplastic Primordial Dwarfism type II (MOPD II) and



hepatic insufficiency. Journal of Pediatric Endocrinology and Metabolism (JPem) Volume 0, Issue 0, Pages 1–4, ISSN (Online) 2191-0251, ISSN (Print) 0334-018X, DOI: 10.1515/jpem-2012-0397 April 2013 **ISSN: 0334-018X IF 1.634**

32. MF. Faienza, R. Francavilla, R. Goffredo, A. Ventura, **F. Marzano**, G. Panzarino, G. Marinelli, L. Cavallo, G. Di Bitonto. Oxidative stress in obesity and metabolic syndrome in children and adolescents. Hormone Research in Paediatric. 2012;78(3):158-64. doi: 10.1159/000342642 **ISSN: 1663-2818 IF 2.852**
33. G. Brunetti, **F. Marzano**, S. Colucci, A. Ventura, L. Cavallo, M. Grano, MF. Faienza. Genotype-phenotype correlation in Juvenile Paget disease: role of molecular alterations of the TNFRSF11B gene. Endocrine 2012 Oct;42(2):266-71. Epub 2012 May 26. Review. doi: 10.1007/s12020-012-9705-0 **ISSN: 1355-008X IF 3.925**
34. M. F. Caratozzolo*, L. Micale *, M. G. Turturo, S. Cornacchia, C. Fusco, **F. Marzano**, B. Augello, A. M. D'Erchia, L. Guerrini, G. Pesole, E. Sbisà, G. Merla, A. Tullo. TRIM8 modulates p53 activity to dictate cell cycle arrest *co-autori Cell Cycle. 2012 Feb 1;11(3):511-23. doi: 10.4161/cc.11.3.19008. Epub 2012 Feb 1. **ISSN: 1538-4101 IF 4.534**
35. M.F. Faienza*, **F. Marzano***, A.M. Ventura, M. Wasniewska, M. Valenzise, A. Valletti, M.F. Caratozzolo, S. Cornacchia, E. Sbisà, L. Cavallo, A. Tullo Regulation of IGFBP3 gene expression in short children born small for gestational age *co-authors Growth Hormone & IGF Research 2011 Dec; 21(6):349-55 doi: 10.1016/j.ghir.2011.09.003. Epub 2011 Oct 15. **ISSN: 1096-6374 IF 2.01**

Pubblicazioni in atti congressuali:

-Benefits of a grape-rich diet on human health: a nutrigenomics study underlining the potential role of non-coding RNAs. Milella R., Gasparro M., Alagna F., Cardone MF., Rotunno S., Ammollo CT., Semeraro F., Tullo A., Marzano F., Catalano D., Colucci M., D'Elia D. EMBnet.journal 2021 26(Suppl A), e989 <http://dx.doi.org/10.14806/ej.26.A.989> **ISSN:2226-6089 IF 1.71**

- Plant micro RNAs can control cancer genes expression through a sequence-specific targeting mechanism: the case of MALAT1 and NEAT1". Marzano F., Caratozzolo MF., Consiglio A., Licciulli F., Liuni S., Sbisà E., D'Elia D., Tullo A., Catalano D. EMBnet.journal 2021 26(Suppl A), e984 <https://doi.org/10.14806/ej.26.A.984> **ISSN:2226-6089 IF 1.71**

- Analysis of Circulating miRNAs in Obese Children Born Small for Gestational Age MF. Faienza, F. Marzano, E. Inzaghi, A. Annese, M.F. Caratozzolo, A. D'Erchia, M. Chiara, D. Hornerd, E. Sbisà, L. Cavallo, G. Pesole, A. Tullo & Stefano Cianfarani. European Society for Paediatric Endocrinology (ESPE) Paris 10 - 12 September 2016 Francia

Horm Res Paediatr 2016;86 (suppl 1):1-556 (DOI:10.1159/000449142) **ISBN 978-3-318-05958-8** IF 1.661

- **Short-term outcome of a patients with Majewski osteodysplastic primordial dwarfism type II (MOPD II) treated with rhIGF-1.** M.F. Faienza, A. Acquafredda, M. D'Aniello, F. Marzano, C. Zecchino, A. Ventura, L. Cavallo.

ESPE: European Society for Pediatric Endocrinology, Glasgow 25-28 Settembre 2011 Horm Res Paediatr 2011;76(suppl 2):193–262 (DOI:10.1159/000334328) **ISBN 978-3-8055-9835-4** IF 1.661

- **Role of the p53 oncosuppressor gene family members in the expression regulation of the IGFBP3 gene.**

F. Marzano, M.F. Faienza, E. Sbisà, M.F. Caratozzolo, A.M. Ventura, A. Tullo, L. Cavallo

ESPE: European Society for Pediatric Endocrinology, Praga 22-25 Settembre 2010

Vol. 74, Suppl. 3, 2010 Horm Res Paediatr 2010;74(Suppl.3):1–320 (DOI:10.1159/000321348) **ISBN 978-3-8055-9546-9** IF 1.661

- **PTPN11, SOS1 gene analysis, and genotype-phenotype correlation in a cohort of patients with Noonan Syndrome.**

M.F. Faienza, F. Marzano, A. Ventura, M. D'Aniello, A. Acquafredda, C. Zecchino, L. Cavallo

ESPE: European Society for Pediatric Endocrinology, Praga 22-25 Settembre 2010

Vol. 74, Suppl. 3, 2010 Horm Res Paediatr 2010;74(Suppl.3):1–320 (DOI:10.1159/000321348) **ISBN 978-3-8055-9546-9** IF 1.661

- **Study of the regulation of the IGFBP3 gene expression in short children born small for gestational age.** M.F. Faienza, F. Marzano, M.F. Caratozzolo, E. Sbisà, L. Cavallo, A. Tullo. LWPES/ESPE: 8th Joint Meeting Global Care in Pediatric Endocrinology, New York 9-12 Sett 2009. Hormone research in paediatrics. 72, Suppl. 3, 2009 **ISBN 978-3-8055-9226-0** IF 1.661

Relatore a congressi nazionali ed internazionali:

- Presentazione dal titolo “Plant micro RNAs can control cancer genes expression through a sequence-specific targeting mechanism: the case of MALAT1 and NEAT1”
EMBnet Conference 2020 "Bioinformatics Approaches to Precision Research”
23-24 Settembre 2020. Attestato rilasciato da Domenica D'Elia EMBnet Chair
- Presentazione dal titolo “Scouting cross-kingdom transfer: effect of plant microRNA on the expression of human genes involved in cell proliferation” **FISV 2018 minisimposio "Plant Nutrition and Biofortification", Roma 19 settembre 2018** mail inviata da Lucia Ugo & Marina Nobilio Organising Secretariat in data 19 Luglio 2018
- Presentazione dal titolo “A dieta di RNA: microRNA di piante regolano la proliferazione di cellule tumorali umane” primo **congresso nazionale Alimentazione e Nutrigenomica, 12 Ottobre 2018 Bari** attestato rilasciato dalle organizzatrici del congresso dott.ssa Sbisà e dott.ssa D'elia.

Premi e riconoscimenti:

- **Travel Grant: EMBO Practical Course** “Targeted NGS in patients with cancer, mendelian or complex disease. **Poster: “Majewski syndrome: reassessment of the molecular bases”** F. Marzano, M. F. Faienza, L. Cavallo, G. Scarano, G. Pesole, M. Chiara, D. Horner, D. D’elia, V. Mirabelli, E. Sbisà, A. Tullo.” Cracovia 19-23 Settembre 2016, Polonia attestato rilasciato dal responsabile corsi e workshop EMBO Dr. Anne-Marie Glynn.
- **EMBnet tutorial grant**, NETTAB 2015 & INTEGRATIVE BIOINFORMATICS 2015 JOINT SYMPOSIUM. **Abstract: “Effects of edible plant microRNAs on cancer cell proliferation: a beneficial cross-kingdom interaction.** F. Marzano, M.F, Caratozzolo, S. Liuni, E. Sbisà, A. Tullo, D. Catalano” Bari 12-16 Ottobre 2015. Responsabile dott. Romano

Organizzazione di conferenze internazionali/nazionali, partecipazione a comitati scientifici di conferenze internazionali/nazionali

- Membro del comitato organizzativo del convegno
Titolo dell’evento “Nutrigenomica e Alimentazione: approcci omici e metodologie di gestione integrata dei dati molecolari e clinici”
Hotel Palace Bari
Data 12-13 Ottobre 2018
Per tale incarico è stata ricevuta in data 31/07/2018. Numero di protocollo 0001795 in data 27/08/2018 rilasciata dal responsabile di sede ITB-CNR Bari dott. Sabino Liuni.
- Partecipazione comitato organizzativo
Titolo dell’evento Next Generation Sequencing workshop third edition
Università degli studi di Bari
Data 12-14 Ottobre 2011
Riferimenti Abstract Book pag 3 responsabile evento prof. Graziano Pesole

Revisore progetti:

Valutatore delle proposte progettuali nell’ambito dei bandi MISE – fondo per la crescita sostenibile incarico conferito da Il Delegato del Dirigente (Dott. Giuseppe Magnifico) in data 14 Maggio 2022

Membro comitato revisione:

International Journal of Molecular Sciences (<http://www.mdpi.com/journal/ijms>, IF 4.556)

Attività di revisione per riviste scientifiche con IF:

- Cancers ID: cancers-1146176 IF: 6.126



- Plos One PONE-D-21-00288 IF:2.740
- International Journal of Molecular Sciences ID: ijms-974170 IF:4.556
- Diagnostics Manuscript ID: diagnostics-866766 IF 3.1
- Molecular Oncology [email ref: IRE-RW-1-a] IF 5.264
- Frontiers in Genetics review assignment - 511362 IF 3.789
- Scientific Reports SREP-19-36571 IF 4.122

Posters a congressi nazionali ed internazionali:

Plasma membrane amino acid transporters and VDACs in the metabolic rewiring of glioblastoma: from multi-omic approaches to targeted treatment

M. Scalise, A. Magrì, B. Balech, C. Musicco, L. Console, D. I. Abbrescia, Y. Antonacci, C. Pousis, C. Telegrafo, F. Mastroiocco, L. De Martino, G. Pesole, A. Tullo, C. Indiveri, F. Marzano. SIBBM 2025 • Frontiers in Molecular Biology Molecular drivers and targets in development and disease Naples, Italy • 17-19 June 2025

Plant microRNAs and human cancer cell proliferation: a beneficial cross-kingdom interaction

F. Marzano, M. Caratozzolo, S. Liuni, E. Sbisà, A. Consiglio, F. Licciulli, D. D'Elia, A. Tullo, D. Catalano

13th Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society Bari Giugno 15-17, 2016, Università di Salerno, Italia

Effects of edible plant microRNAs on cancer cell proliferation: a beneficial cross-kingdom interaction

F. Marzano, M.F. Caratozzolo, S. Liuni, E. Sbisà, A. Tullo, D. Catalano

NETTAB 2015 & INTEGRATIVE BIOINFORMATICS 2015 JOINT SYMPOSIUM, Bari 12-16 Ottobre 2015

TRIM8 role in the crosstalk between MYCN-miR17 pathway and p53 tumour suppressor protein

M. F. Caratozzolo, F. Mastropasqua, F. Marzano, A. Valletti, A. M. d'Erchia, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

16° international p53 workshop, Stoccolma 15-19 Giugno 2014

Trim8 anti-proliferative action against p53 wild type chemo-resistant tumours

F. Mastropasqua, A. Morgano, M. F. Caratozzolo, G. di Tullio, I. Aiello, A. Valletti, F. Marzano, A. M. d'Erchia, G. Pesole, E. Sbisà, A. Moschetta, A. Tullo

16° international p53 workshop, Stoccolma 15-19 Giugno 2014

TRIM8 antiproliferative action against chemo-resistant Renal Cell Carcinoma with wild-type p53

M. F. Caratozzolo, A. Valletti, M. Gigante, I. Aiello, F. Mastropasqua, F. Marzano, M. Battaglia, G. Carrieri, H. Simonnet, A. M. D'Erchia, E. Ranieri, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

9° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, Pavia 5-7 Giugno 2013

A novel general-purpose RNA-Seq protocol optimizing the detection of transcriptome expression complexity

C. Calabrese, M. mangiulli, C. Manzari, A.M. Paluscio, M.F. Caratozzolo, F. Marzano, I. Kurelac, A.M. D'Erchia, D. D'Elia, F. Licciulli, S. Liuni, E. Picardi, M. Attimonelli, G. Gasparre, A.M. Porcelli, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

NGS : Next Generation Sequencing Workshop, 5-7 Dicembre 2012

TRIM8 suppresses cell proliferation by antagonizing Δ Np63 α oncogenic activity

MF. Caratozzolo, T. Lopardo, F. Marzano, A. Valletti, A. M. D'Erchia, G. Pesole, E. Sbisà, L. Guerrini, A. Tullo

FISV: Federazione Italiana Scienze della Vita, Roma 24-27 Settembre 2012

TRIM8: a new key modulator of the p53 pathway

MF. Caratozzolo, F. Mastropasqua, I. Aiello, T. Lopardo, F. Marzano, A. Valletti, A.M. D'Erchia, G. Pesole, E. Sbisà, L. Guerrini, A. Tullo

SIBBM: Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare, 24-26 Maggio 2012

Understanding the role of TRIM8, a new p53 target gene that modulates p53 activity, in the progression of glioma.

L. Micale, M.F. Caratozzolo, C. Fusco, B. Augello, M.N. Loviglio, M.G. Turturo, G. Cotugno, T. Lopardo, F. Galli, S. Cornacchia, F. Marzano, A.M. D'Erchia, L. Guerrini, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo, G. Merla

ICHG:12TH International Congress of Human Genetics, Montreal 11-15 Ottobre 2011

Identification of new p53 regulatory networks through NGS data analysis

D. D'Elia, M. Mangiulli, AM. Paluscio, C. Manzari, MF. Caratozzolo, F. Marzano, AM. D'Erchia, F. Mignone, F. Licciulli, G. Grillo, A. Consiglio, G. De Caro, S. Liuni, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

NGS : Next Generation Sequencing Workshop, 12-14 Ottobre 2011

454 GS-FLX Titanium platform :The experience of ITB-Ba

D. D'Elia, M. Mangiulli, M. Santamaria, AM. Paluscio, C. Manzari, MF. Caratozzolo, F. Marzano, M. Marzano, E. Perlino, P. Fuzio, A. Valletti, AM. D'Erchia, A. Consiglio, A. Gisel, S. Vicario, B. Balech, F. Licciulli, G. Grillo, S. Liuni, E. Picardi, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

NGS : Next Generation Sequencing Workshop, 12-14 Ottobre 2011

Alterazione del rimodellamento osseo in soggetti in età pediatrica affetti da deficit di 21-idrossilasi (21-OHD): ruolo di DKK1

G. Brunetti, MF. Faienza, A. Ventura, F. Marzano, L. Piacente, F. Sardone, A. Oranger, G. Mori, S. Colucci, M. Grano

SIOMMMS: Società Italiana dell' Osteoporosi del Metabolismo Minerale e delle Malattie dello Scheletro, 29 settembre- 2 ottobre 2010.



Role of the p53 oncosuppressor gene family members in the expression regulation of genes involved in the intracellular transduction of growth signals

F. Marzano, M.F. Faienza, M.F. Caratozzolo, S. Cornacchia, A.M. Ventura, A.M. D'Erchia, E. Sbisà, L. Cavallo, A. Tullo

SIBBM: Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare, 3-5 Giugno 2010

Partecipazione a congressi:

- SIBBM 2025 • Frontiers in Molecular Biology Molecular drivers and targets in development and disease Naples, Italy • 17-19 June 2025
- SIBBM "Frontiers in Molecular Biology" Seminar Frontiers in metabolic research Online, 7-10 June 2021. Attestato rilasciato da Prof. Giovanni Cuda Segretario-Tesoriere SIBB
- Eptri European Paediatric Translation Research Infrastructure, 2-3 Aprile 2020. Attestato rilasciato da Bonifazi Donato.
- Update in endocrinologia e diabetologia pediatrica, Bari 13-14 Ottobre 2017. Attestato rilasciato dal Responsabile scientifico dott.ssa Maria Felicia Faienza.
- Innovation in clinical oncology: Oncogenomics for diagnosis and treatment, Bari 23-24 Giugno 2016. Attestato rilasciato dal prof. Franco Silvestris
- NETTAB & INTEGRATIVE BIOINFORMATICS 2015 Joint Symposium, 14-16 Ottobre 2015 Bari attestato rilasciato dall'organizzatrice dott.ssa Domenica D'Elia e dal dott. Paolo Romano.
- Array CGH/NGS come cambia la genetica medica, 19 Giugno Bari 2015.
- Convegno finalizzato alla divulgazione e pubblicazione delle attività connesse ai corsi di alta formazione per "manager della ricerca" e per "ricercatori esperti nelle tecnologie avanzate applicate ai campi delle bioscienze e salute" realizzate nell'ambito del progetto di potenziamento PONa3_00395 bioscienze e salute, attestato rilasciato dalla prof.ssa Maria Svelto, responsabile progetto potenziamento e dal prof. Palmiro Cantatore responsabile progetto formativo Bari 16-17 Ottobre 2014.
- 9° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, Pavia 5-7 Giugno 2013
- ESPE: European Society for Pediatric Endocrinology attestato rilasciato da prof. Jan Lebl, presidente ESPE, Praga 22-25 Settembre 2010
- SIBBM: Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare attestato rilasciato da prof.ssa Nicoletta Landsberger, segretario tesoriere SIBBM, Padova, 3-5 Giugno 2010
- VII Annual General Meeting BITS- Società di Bioinformatica Italiana attestato rilasciato da prof. Graziano Pesole, presidente BITS, Bari, 14-16 Aprile 2010

Iscrizione a società scientifiche:

Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare, SIBBM



Interessi personali:

Lettura di libri e riviste scientifiche;

Utilizzo del PC (Pacchetto Office: Word, Access, Excel, Powerpoint; Adobe Photoshop) ;

Sport; Musica; Viaggi.

FIRMA(**)



() ai sensi dell'art. 15, comma 1 della Legge 12/11/2011, n. 183 le certificazioni rilasciate dalla P.A. in ordine a stati, qualità personali e fatti sono valide e utilizzabili solo nei rapporti tra privati; nei rapporti con gli Organi della Pubblica Amministrazione e i gestori di pubblici servizi, i certificati sono sempre sostituiti dalle dichiarazioni sostitutive di certificazione o dall'atto di notorietà di cui agli artt. 46 e 47 del DPR 445/2000*

N.B:

FIRMA

